

CONSULTA PÚBLICA PARA AUTORIZACIÓN DEL EVENTO Bt11 X MIR162 X TC1507 X NK603

1. INFORMACIÓN GENERAL

1.1. INTERESADO / SOLICITANTE

	No. RADICADO	20231341984	FECHA (dd/mm/aa)	28/12/2022
COMPAÑÍA SOLICITANTE	Syngenta S.A			
REPRESENTANTE LEGAL	Catalina Santana			
DIRECCIÓN DE CORRESPONDENCIA	Carrera 7 #116-50		CIUDAD	Bogotá
TELÉFONO	6538777	CORREO ELECTRÓNICO	Catalina.santana@syngenta.com	

1.2. DATOS DE LA SOLICITUD

TITULO	Autorización del evento individual de maíz
ALCANCE DE LA SOLICITUD	Autorización uso como alimento o materia prima para la elaboración de alimentos para consumo humano
NOMBRE DEL EVENTO	Bt11 X TC1507 X NK603
IDENTIFICADOR ÚNICO	SYN-BTØ11-1 x SYN-IR162-4 x MON- ØØ6Ø3-6
AUTORIZACIÓN DE EVENTOS PARENTALES	Bt11- Resolución 2019040929 del 17 de septiembre de 2019 TC1507 – Acta SEABA 2006 NK603 – Acta SEABA 2004

2. INFORMACIÓN DE LA PLANTA RECEPTORA

NOMBRE CIENTÍFICO	<i>Zea mays</i> L.
NOMBRE COMÚN	Maíz
FAMILIA TAXONÓMICA	Poaceae
VARIEDAD, LINEA, CULTIVAR	N/A
HISTORIA DE USO	El maíz ha sido utilizado históricamente por los pueblos indígenas del hemisferio occidental y actualmente se utiliza como alimento básico para personas de todo el mundo, sobre todo en áreas de agricultura de subsistencia. Es la principal materia prima para la obtención de almidón, la cual puede ser refinada en productos complejos como aceites, jarabes, goma de mascar, entre otros. Es el segundo cultivo comercial del mundo a nivel de producción y el primer cereal en rendimiento de grano por hectárea

3. DOCUMENTOS SUMINISTRADOS POR EL SOLICITANTE PARA LLEVAR A CABO EL ANÁLISIS DE LA EVALUACIÓN DEL RIESGO PRESENTADA

FUNCIÓN PRETENDIDA POR EL EVENTO	Expresar las proteínas con acción insecticida Cry1Ab y Cry1F, expresar la proteína 5-enolpiruvilshikimato-3-fosfato sintasa (CP4 EPSPS) que brinda tolerancia al herbicida glifosato y expresar la proteína fosfinotricina acetil transferasa (PAT) mediante el gen <i>bar</i> , para conferir tolerancia contra el herbicida glufosinato de amonio.
DESCRIPCIÓN GENERAL DE LA METODOLOGÍA DE TRANSFORMACIÓN	<p>Los eventos individuales Bt11, MIR162, TC1507, y NK603, fueron obtenidos mediante el uso de tecnología ADN recombinante. Sin embargo, el evento apilado fue obtenido a través de métodos convencionales de mejoramiento por el cruce de los eventos individuales.</p> <p>A continuación, se resume la obtención de cada evento individual:</p> <p><u>Bt11</u></p> <p>Se obtuvo mediante transferencia directa por protoplastos y transformación por electroporación, empleando el vector plasmídico pZ01502. Dicho vector posee un T-ADN el cual contiene dos casetes de expresión. El primero posee el gen <i>Cry1Ab</i>, regulado por el promotor 35S derivado del virus del mosaico de la coliflor (CaMV), modulado por el intrón IVS6 y la señal de 3'-poliadenilación del gen <i>nos</i> (nopalina sintetasa) de <i>Agrobacterium tumefaciens</i> (T-NOS 3'); el segundo casete comprende el gen <i>pat</i> bajo el control del promotor CaMV 35S, intrón IVS2 y terminador NOS 3'. Adicionalmente, el T-ADN contiene el gen <i>ampR</i>, utilizado como marcador de selección.</p> <p><u>TC1507</u></p> <p>Se obtuvo mediante transformación por bombardeo de micropartículas, en donde micropartículas de oro o tungsteno fueron recubiertas con el vector binario PHP8999. Dicho vector posee un T-ADN el cual contiene dos casetes de expresión. El primero posee el gen</p>

	<p><i>Cry1F</i>, regulado por el promotor ubiquitina de <i>Zea mays</i> (ZmUbi1) y la región terminadora ORF25PolyA de <i>A. tumefaciens</i>; el segundo casete comprende el gen <i>pat</i> bajo el control del promotor regulado por el promotor y terminador de la región 35S del virus del mosaico de la coliflor (P-35S y CAMV35S).</p> <p><u>NK603</u></p> <p>Obtenido a través de transformación por bombardeo de micropartículas, en donde micropartículas de oro o tungsteno fueron recubiertos con el vector binario PV-ZMGT32. Dicho vector posee un T-ADN el cual contiene un casete de expresión, el cual posee el gen <i>cp4 epsps</i>, regulado por el promotor 1 de la actina del arroz (P-act1) y T-NOS.</p>
DESCRIPCIÓN GENERAL ESTABILIDAD GENÉTICA	Mediante Southern blot se realiza la validación de la estabilidad genética de los nuevos insertos en el evento.
ANÁLISIS COMPOSICIONAL	Se suministra el estudio del evento Bt11 X TC1507 X MIR162 X NK603 realizado en 2021 en Argentina, los resultados mostraron 14 componentes con diferencias estadísticamente significativas de 57 analizados. Sin embargo, todos estos estuvieron en los rangos de referencia internacional y tolerancia.
ALERGENICIDAD Y TOXICIDAD	Estudios bioinformáticos fueron realizados para las nuevas proteínas, en donde los resultados no arrojaron identidades que sugieran homología con alérgenos y/o toxinas conocidas. Adicionalmente, los estudios de digestibilidad en fluido gástrico simulado (SFG) y sobredosis previamente estudiadas, demostraron que las proteínas se degradan rápidamente, lo cual respalda el argumento no alérgico de dichas proteínas y los estudios de sobredosis no revelaron efectos adversos, lo cual sugiere la no toxicidad de las nuevas proteínas.

4. OTRA INFORMACION

PAISES Y USOS EN DONDE ESTA AUTORIZADO	Según la información suministrada no se cuenta con una autorización de este evento en otros países
SOLICITUDES EN CURSO O AUTORIZACIONES EN COLOMBIA	No se suministra dicha información